

Проанализировав данные более чем 1,3 миллиона клеток, модель может определить паттерны экспрессии генов даже в тех типах клеток, с которыми она раньше не сталкивалась. Этот прорыв может изменить наше понимание таких заболеваний, как рак и генетические нарушения.

ИИ смог предсказать последствия мутаций в детской лейкемии, показав, как конкретные изменения генов нарушают поведение клеток. Точность системы была подтверждена результатами экспериментов, что делает ее перспективным инструментом для изучения неизученных областей генома, особенно тех, которые связаны с раком, отмечают учёные.

Материалы новостного характера нельзя приравнивать к назначению врача. Перед принятием решения посоветуйтесь со специалистом.